



*Enfermedades Infecciosas
y Microbiología*

Órgano de la Asociación Mexicana de Infectología y Microbiología Clínica, AC,
y del Consejo Mexicano de Certificación en Infectología AC.

<http://www.amimc.org.mx>



XXXVII Congreso Anual de la Asociación
Mexicana de Infectología y Microbiología Clínica, AC.
XIV Simposio Internacional sobre VIH/SIDA

León, Gto.

25 - 28 de Abril 2012

Centro de Convenciones "Poliforum León"

Indizada en IMBIOMED <http://www.imbiomed.com>

Revista registrada en LatIndex, ULACS (Literatura Latinoamericana y de Caribe de la Salud), BIBJOMEX, CENDS, Secretaría de Salud, Subdirección de Investigación IMSS, PUS, Periódica, Índice de Revistas Latinoamericanas en Ciencias-UNAM; EMBASE, EXCERPTA MEDICA.

Núm. especial

VOL.32 SUPLEMENTO 2012

Primer aislamiento en América del Norte de *Acinetobacter baumannii* multiresistente portador de *bla*_{OXA-72} plasmídica

TURRUBIARTES-MARTÍNEZ EDGAR ALEJANDRO¹; TAMAYO-LEGORRETA ELSA MARÍA²; SÁNCHEZ-PÉREZ ALEJANDRO²; OLIVA-RAMÍREZ BRENDA¹; CERDARAMOS LAURA³; FLORES-SANTOS ANDRES³; TOVAR-OVIEDO JUANA⁴; SILVA-SÁNCHEZ JESÚS²; NIÑO-MORENO PERLA.¹

¹Laboratorio de Genética y Diagnóstico Molecular, Facultad de Ciencias Químicas UASLP.

²Centro de Investigación sobre Enfermedades Infecciosas, Instituto Nacional de Salud Pública.

³Laboratorio de Microbiología Hospital Central "Dr. Ignacio Morones Prieto."

⁴Laboratorio de Microbiología Facultad de Ciencias Químicas UASLP.

Contacto: ed_alex2@hotmail.com

Objetivo: Identificar y caracterizar molecularmente genes que codifican para carbapenemasas clase D en aislamientos clínicos de *Acinetobacter baumannii*. **Materiales y Métodos:** La identificación bacteriana y la susceptibilidad antimicrobiana se realizaron con el equipo Phoenix (Becton Dickinson Company). El análisis filogenético de las cepas bacterianas se realizó por Electroforesis en gel de campos pulsados y la identificación de los genes que codifican para carbapenemasas por la técnica de PCR con oligonucleótidos específicos para cada familia (OXA23, OXA24, OXA51 y OXA58) y posteriormente una secuenciación automatizada. La localización genómica se realizó mediante hibridación tipo southern previa extracción de plásmidos por kit comercial. **Resultados:** Todos los aislamientos del brote nosocomial fueron multiresistentes, pertenecían a un solo grupo clonal (A) con dos subtipos (A1/A2) y amplificaron para el gen *bla*_{OXA-72}, miembro de la familia de *bla*_{OXA-24} y que difieren en la proteína que codifican en la sustitución de un solo aminoácido. Los aislamientos contienen un plásmido de aproximadamente 12 Kb y los resultados de la hibridación tipo southern indican que el gen *bla*_{OXA-72} se localiza en él. Dentro del contexto genético se encontró las secuencias XerC/XerD flanqueando a *bla*_{OXA-72} que según la literatura están involucrados en la movilización de secuencias cortas de ADN. Adicionalmente se amplificó la secuencia *ISAbal* que no está asociada a *bla*_{OXA-51} (cromosómica). **Conclusiones:** La producción de carbapenemasas de clase D fue el principal mecanismo de resistencia a carbapenémicos por *Acinetobacter baumannii*, siendo este el primer reporte en América del Norte de *Acinetobacter baumannii* multiresistente portador de *bla*_{OXA-72} plasmídica.